

Spis treści

Wykaz ważniejszych skrótów	5
1. Wprowadzenie	7
1.1. Czynniki etiologiczne <i>mastitis</i>	7
1.2. Gronkowce jako czynniki etiologiczne <i>mastitis</i>	7
1.3. Identyfikacja	8
1.3.1. Klasyfikacja gronkowców	8
1.3.2. Identyfikacja fenotypowa	9
1.3.3. Identyfikacja genotypowa	10
1.4. Lekooporność gronkowców	12
2. Cele pracy	17
3. Materiał i metody	19
3.1. Pobieranie prób mleka	19
3.2. Izolacja gronkowców	19
3.3. Identyfikacja fenotypowa	20
3.4. Identyfikacja genotypowa	20
3.4.1. Izolacja DNA	20
3.4.2. Amplifikacja genu <i>gap</i> , genu 16S rRNA i genu <i>coa</i>	20
3.4.3. PCR-RFLP genu <i>gap</i> i genu <i>coa</i>	22
3.4.4. Sekwencjonowanie genu 16S rRNA	22
3.5. Wrażliwość na antybiotyki i chemioterapeutyki	22
3.5.1. Test dyfuzyjno-krażkowy	22
3.5.2. Amplifikacja genu <i>mecA</i> i regionu <i>SCCmec</i>	23
3.5.3. Oznaczanie MIC oksacyliny i wankomycyny	24
3.6. Analiza statystyczna	24
4. Wyniki	25
4.1. Wprowadzenie	25
4.2. Identyfikacja fenotypowa	32
4.3. Identyfikacja genotypowa	33
4.4. Analiza lekooporności	37
4.5. Udział <i>S. aureus</i> i CNS we florze gronkowcowej mleka krów z klinicznym i podklinicznym <i>mastitis</i>	42
5. Omówienie wyników i dyskusja	47
6. Wnioski	59
Piśmiennictwo	61
Summary	71
Zusammenfassung	73